



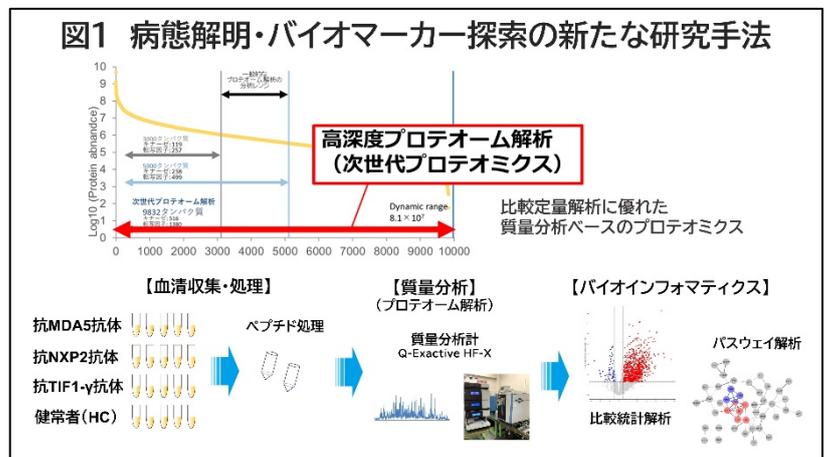
千葉大学大学院医学研究院の佐藤裕範特任助教、井上祐三朗特任准教授らの研究グループは、かずさ DNA 研究所、北海道大学、信州大学、日本医科大学、京都府立医科大学との共同研究で、**Juvenile dermatomyositis: JDM** の病態を明らかにしました。その結果、特に **MDA5** の血中には、**JDM** の患者の血清には臨床症状に関連する多くのタンパク質が存在することが明らかとなりました。これらの結果は、今後、新たな治療法やバイオマーカー^{*4}の開発に役立つ可能性があります。本研究成果は国際医学雑誌 Rheumatology に掲載されました（2023 年 4 月 13 日）。

1. 最新鋭の高深度プロテオーム解析を用いて、10μL の血清から 2,000 種類を超えるタンパク質が検出された。健常者の血清と比較した結果、JDM 患者の血清には臨床症状に関連する多くのタンパク質が存在することが明らかとなった。
2. 3 種類の筋炎特異的の自己抗体（MSA）^{*5}別にタンパクプロファイル解析を行った結果、MSA の違いによって、発現するタンパク質の種類や量が異なっていた。特に抗 MDA5 抗体陽性 JDM では、I 型インターフェロンや免疫プロテアソーム経路に関連するタンパク質の発現が増加していた。
3. MSA が異なる JDM ごとに、病態に関連する重要な分子を同定することは、個別化医療につながる可能性がある。

小児の希少免疫疾患である **JDM** は、筋・皮膚病変や肺合併症など、多彩な症状をきたす自己免疫疾患^{*6}です。日本国内では 10 万人あたり約 1.7 人が発症するとされている希な疾患です。近年、多くの **MSA** の発見によって、これらの症状が MSA によって特徴づけられることが明らかとなりました。 **JDM 90 MSA MDA5 NXP2 TIF1-**

とされていますが、これまで病態に関わる分子の詳細な分析についてはほとんど報告がありませんでした。

近年、病態の解明やバイオマーカーの開発技術として、臨床試料を用いたプロテオーム解析が注目されています。本研究では、最新鋭の質量分析計と高い解析技術を搭載した **高深度プロテオーム解析（次世代プロテオミクス）** を用いて JDM 血清中のタンパク質を網羅的に分析し、MSA のタイプ別に異なる発現をもつタンパクプロファイルの特徴を明らかにすることを目的としました（図 1）。

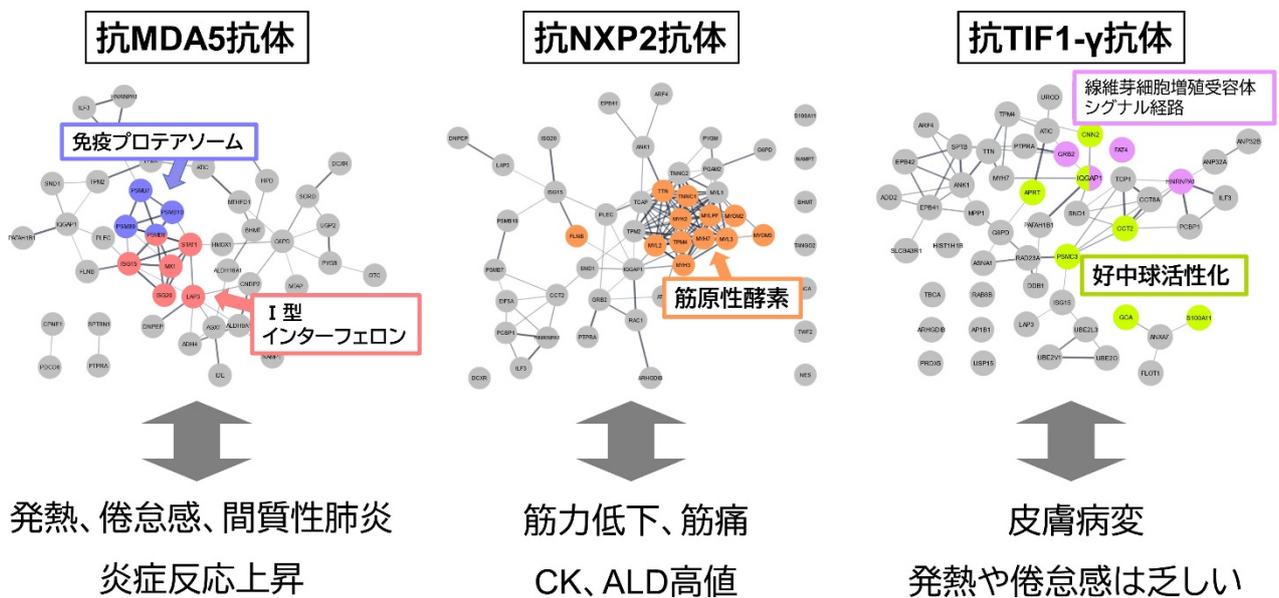


多施設共同研究として行われた本研究は、治療介入前の JDM 患者 15 名（抗 MDA5 抗体陽性 5 名、抗 NXP-2 抗体陽性 5 名、抗 TIF1- γ 抗体陽性 5 名）と健常者 5 名の血清を分析しました。検出されたタンパク発現量の比較統計解析を行い、MSA に特徴的に変化するタンパクグループの同定と病態に関わるパスウェイ解析^{*7}を行いました。

その結果、JDM の末梢血中で増加しているタンパク質群の中には、共通したタンパク質が多く含まれている一方で、各 MSA で個別に異なっている

していることが明らかとなりました。特に、発熱や倦怠感が出現しやすい抗 MDA5 抗体陽性 JDM では、炎症や全身症状を引き起こしやすいインターフェロン活性や免疫プロテアソームに関わるタンパク質が増加しており、筋力低下や筋痛などの筋炎症状をきたしやすい抗 NXP2 抗体陽性 JDM では、他の群よりも多くの筋肉の酵素タンパクが増加していることが分かりました。このように、全身を流れる血液中の詳細なタンパク分析を行う事で、実際の症状に関連するどの分子が増加しているのかを知ることができます。

図2 MSAにおけるタンパクの違いが臨床像を表現する



今回のような方法で発現タンパク質を詳細に解析し病態を理解していくことは、疾患の予後予測や治療戦略を立てる点で非常に重要です。MSA の病態に関連する重要な分子を同定することで、将来的に分子療法の適用や個別化医療の実現に近づく可能性があります。治療標的や新規バイオマーカーの検討を行うためには、更にサンプル数を増やした解析や、合併症などの異なる視点に注目した解析をすすめていく必要があります。

タイトル : In-depth proteomic analysis of juvenile dermatomyositis serum reveals protein expression associated with muscle-specific autoantibodies

掲載誌 : Rheumatology. (DOI: <https://doi.org/10.1093/rheumatology/kead165>)

■著者名

- ・佐藤裕範（千葉大学大学院医学研究院 小児病態学）
- ・井上祐三朗（千葉大学大学院医学研究院 総合医科学）
- ・川島祐介（かずさ DNA 研究所）
- ・小原收（かずさ DNA 研究所）
- ・紺野亮（かずさ DNA 研究所）
- ・桑名正隆（日本医科大学 アレルギー膠原病内科学）
- ・小林法元（長野赤十字病院 小児科）
- ・竹崎俊一郎（北海道大学大学院医学研究院小児科学教室）
- ・秋岡親司（京都府立医科大学大学院医学研究科 小児科学）

■用語説明

*1) 高深度プロテオーム解析：プロテオームとは、タンパクを表す英語の「プロテイン (protein)」と、遺伝子情報のかたまりを示す「ゲノム (genome)」を合わせた造語であり、ごく少量の生体試料に含まれているタンパク質の構造や機能を遺伝子解析のように詳細に解析する技術を指す。最新鋭の分析計と解析技術を組み合わせることで、従来のプロテオーム解析よりも更に高深度に分析することができる。

*2) インターフェロン：体内で病原体や腫瘍細胞などの異物に反応して細胞が分泌する蛋白質のこと。ウイルス増殖の阻止や細胞増殖の抑制、免疫系および炎症の調節などの働きをするサイトカインの一種である。様々な疾患に関与し、抗ウイルス薬や抗がん剤などにも用いられている。

*3) プロテアソーム：細胞内である種のタンパク質の分解に関わる複合体のこと。特に、免疫プロテアソームは自己免疫疾患の発症やサイトカインの放出に関連すると考えられている。

*4) バイオマーカー：ある疾患の早期診断や治療効果などの指標となる生体データのこと。プロテオーム解析や遺伝子解析などで発見されるタンパク質や遺伝子なども含まれる。

*5) 筋炎特異的自己抗体 (MSA)：自己抗体とは、自己免疫性疾患の診断となる自分自身の細胞や臓器を障害する抗体の事であり、中でも筋炎に特徴的な抗体を筋炎特異的自己抗体 (MSA) と呼ぶ。近年の研究から新たな MSA が相次いで発見されており、現在は 10 種類近くにも及ぶ。成人と小児の筋炎で出現頻度や種類が大きく異なる。

*6) 自己免疫疾患：本来なら体を守る免疫機構に異常が生じて、自分自身の体の一部を攻撃してしまう疾患の総称。代表的な疾患として、関節リウマチやバセドウ病、全身性エリテマトーデス、皮膚筋炎、シェーグレン症候群などがある。

*7) パスウェイ解析：発現変化する遺伝子情報やタンパク質群を用いて、機能や代謝経路、相互作用や疾患に関わる制御にどのような影響を与えているのかを解析する手法。

千葉大学大学院医学研究院 小児病態学 佐藤裕範 E-mail : sim.wis31@gmail.com

千葉大学大学院医学研究院 総合医科学 井上祐三朗 E-mail:yuzaburo@chiba-u.jp

[TEL:043-226-2823](tel:043-226-2823)

<広報に関するお問い合わせ>

千葉大学企画部渉外企画課広報室

[TEL:043-290-2018](tel:043-290-2018) E-mail:koho-press@chiba-u.jp